

日時: 10月28日(月) 16:00~18:00

場所: 4階研修室

参加費無料 (CBI学会 2013年大会への参加登録は不要)

チュートリアル

NGS データ解析入門

— SNP解析 ~ 癌ゲノム解析まで —

株式会社ジナリス

内容:

次世代シーケンシングのデータ解析初心者の方を対象に、解析目的ごとに適した解析ツールの紹介、各解析段階での QC 方法や注意点など、NGS データを手にしたときに知っておきたい様々なことについてご紹介いたします。

セッション 1. 実験条件編: 解析アプリケーション入門

NGS データ解析の対象となる各種解析アプリケーション (Exome-seq など) と、データ解析に影響を与えるシーケンス実験のオプションに焦点をあてます。

セッション 2. 解析ツール編: 目的別解析ツールのご紹介

一般的な変異解析から癌ゲノム解析まで、各種解析ツールやその選び方など

ゲノムからメタボロームまで、実験・解析すべておまかせ!
次世代シーケンシング、メタボローム解析、バイオインフォマティクス、
データ解析システム、ほか

【お問い合わせ先】 株式会社ジナリス バイオIT 事業部
〒230-0046 神奈川県横浜市鶴見区小野町 75-1 リーディングベンチャープラザ 2-308
TEL:045-710-0921 FAX:045-710-0978 E-mail:genome@genaris.co.jp



ジナリス・オミックス・クラブ会員大募集!

- ★オミックス関連最新情報や有用情報をいち早くゲット!
- ★会員特別キャンペーンや、特典付きサービス有り!
- ★登録費用、年会費等は一切無料です。

<http://genaport.genaris.com>

Gena Genome Manager

NGS データ蓄積・管理システム

1000 サンプル規模のゲノム解析データを一元管理できるハードウェア一体型システム

ベンチトップ型を含め、次世代シーケンサーの普及が進んだ今、大規模な NGS 関連データを効率的かつ安全に蓄積、管理するための情報システムの必要性が増してきています。このようなニーズを受け、ジナリスは、複数のプラットフォームと解析アプリケーションを対象とした膨大なデータの蓄積、管理、分析を行うことを可能にするシステム GenaGenomeManager™ を新たに開発しました。1000 サンプル規模の NGS データを解析条件やサンプルの属性などの関連情報（メタデータ）と共にデータベース化することができ、変異や発現データとメタデータを組み合わせた複合的な解析が可能となるシステムです。例えば、形質や栽培条件と変異株ゲノムデータを組み合わせれば育種株の管理や比較研究に役立つほか、Exome データとカルテ情報を統合的に管理することで GWAS 的な解析ができる環境を構築することも容易です。

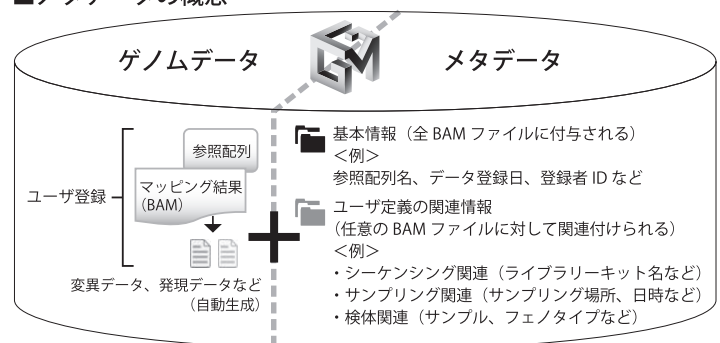
- 軽くてわかりやすいインターフェース
- システム管理者不在でも安心
- 各種シーケンサー・アプリケーションに対応
- 多種多様なメタデータをゲノム情報と合わせて管理

- 多サンプルのデータを容易に比較
- 拡張可能なストレージ
- オフライン機能によるディスク容量の大幅節約
- ワークスペース単位でデータを共有

 マッピング結果(BAM)  変異データ、発現データなど

ぜひデモで体感してみてください！ お問い合わせは genome@genaris.co.jp まで

■メタデータの種類



BAM ファイルには様々な関連情報を付与でき、独自に管理することで安全性を高めている。

■ご利用イメージ

