

「創薬・医療 AI」分野
Selected Oral Presentations
(AI for drug discovery and medical treatment)

モダレーター：本間 光貴 Teruki Honma 関嶋 政和 Masakazu Sekijima
理化学研究所 RIKEN 東京工業大学 Tokyo Institute of Technology

増田 友秀 Tomohide Masuda
東レ株式会社 Toray Industries, Inc.

藤田 直也 Naoya Fujita
大鵬薬品工業株式会社 TAIHO PHARMACEUTICAL CO., LTD.

口頭発表演題（1演題 9分：発表 7分、質疑 2分）

1. [P6-01] Interpretable Reaction Prediction using Graph Convolutional Networks
石田 祥一 Shoichi Ishida
京都大学 Kyoto University
2. [P6-07] High-performance predication model utilizing a novel deep learning-based QSAR analysis using Deep Snap and the Tox21 10k library
松坂 恭成 Yasunari Matsuzaka
明治薬科大学 Meiji Pharmaceutical University
3. [P6-08] Development of AI-aided hit compound finding/profiling system for imaging-based high content screening
寺内 広毅 Hiroki Terauchi
エーサイ株式会社 Eisai Co., Ltd.
4. [P6-09] Computational drug target prediction using PU learning approach
中田 一人 Kazuto Nakata
日本電気株式会社 NEC Corporation
5. [P6-10] Meta-modeling for Optimization in QSAR Modeling Processes and Application to Estrogen Receptor Agonist Activity Prediction
黒崎 宏太 Kota Kurosaki
明治薬科大学 Meiji Pharmaceutical University
6. [P6-11] Predicting drug-induced transcriptome responses of a wide range of human cell lines by a novel tensor-train decomposition algorithm
岩田 通夫 Michio Iwata
九州工業大学 Kyusyu Institute of Technology
7. [P6-13] Deep Learning-aided Label-free, Real-time and Time-lapse Cell Visualization System that Enables Live/Dead Cell Discrimination and Counting
水上 民夫 Tamio Mizukami
長浜バイオ大学, 株式会社フロンティアファーマ Nagahama Institute of Bio-Science and Technology, Frontier Pharma Inc.
8. [P6-18] Focused Library Generative Model for GPCR Family
李 根 Gen Li
東京工業大学 Tokyo Institute of Technology
9. [P6-19] Prediction of G4MP2-level Molecular Properties from DFT-level Structures Using Deep Tensor Neural Network
安尾 信明 Nobuaki Yasuo
東京工業大学 Tokyo Institute of Technology