

バイオインフォマティクスに最適な計算環境をご提案します。

### ◆MKI-DryLab :: Platform

お客様の課題やニーズに沿ったセキュアでプライベートな解析環境をクラウド上(Microsoft Azure)に構築し、スパコン並みの計算力で、「迅速・低コスト・高性能」な計算創薬・バイオインフォマティクス解析環境を叶えます。

#### A) Startup

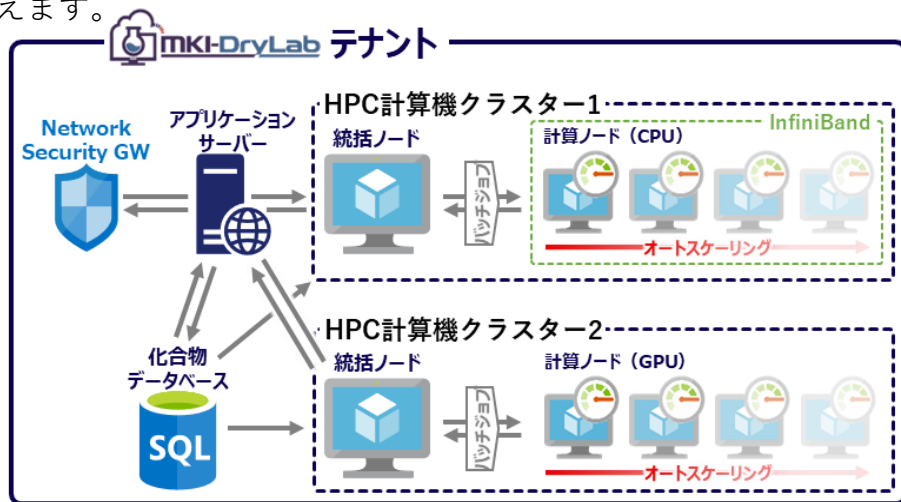
計算創薬環境、およびバイオインフォマティクス解析環境をMicrosoft Azure上に構築します。

#### B) Migration to Cloud

既存のオンプレミス環境で構築されているお客様の解析環境をクラウド上へ移行します。また、HPC計算機クラスターのオートスケーリングによる最適な規模の計算環境を実現します。

### ◆MKI-DryLab :: Consulting

半世紀にわたって培ったバイオサイエンスのknowledgeをもとに、お客様の課題やご要望をスペシャリストによるコンサルティングで解決・支援します。



核酸解析プラットフォーム

2020/6リリース!!



Analyze and Quantify Xeno Nucleic Acids

核酸医薬品の薬物動態評価や品質管理評価における核酸代謝物の同定・分析の解析作業を自動化。製薬・研究開発に従事する皆様の業務効率化を実現します。

核酸構造の定義

核酸構造ライブラリと新規核酸ライブラリの追加

ターゲット核酸配列の登録

天然/人工核酸の配列を自由に登録

計測データからターゲット核酸の同定

代謝物ピークの同定・定量分析を自動実行

ターゲット核酸配列同定後の分析

Treat/control比較やデコンポリューション等の詳細分析

対応機器メーカー・データフォーマット

- Thermo Fisher Scientific (.RAW)
- Waters (.RAW)
- Sciex (.WIFF)
- Agilent (.D)
- Bruker (.D)
- Shimadzu (.LCD)
- MzML (.mzML)



※機器・メーカー・データフォーマットの最新対応状況につきましては、お問い合わせください。

世界初の核酸同定アルゴリズム「Ariadne」による正確なフラグメントイオン同定

